

Ⅱ． 評価資料

1. プロジェクト全体の成果概要
2. プロジェクト参加機関一覧
3. プロジェクト予算の概要
4. 各機関の実施成果
5. 中核機関の成果概要

1. プロジェクト全体の成果概要*

1	構造解析数 基本構造数	4,517 4,187	(理研:2,675、大学:1,842) (理研:2,969、大学:1,218)
2	特許出願数	403	(国内:305、海外:98)
3	論文掲載数 (査読があるもののみ)	4,195	(理研:662、大学:3,533)
4	中核機関数 サブ機関数(延数)	9 126	(理研:1、大学:8) (理研:2、大学:108、その他:16)
5	参加研究者数 ^{**} (プロジェクトによる雇用:内数)	1,218 503	(研究者:812、技術職:202、実験補助:204)
6	施設・機材 ^{***}	NMR:99 X線:226	(理研:42、大学:54、その他:3) (理研:70、大学:153、その他:3)
7	その他	(1)ホームページ作成 (2)データベース構築 (3)シンポジウム、ワークショップ (4)産学連携フォーラム (5)成果発表討論会 (6)技術講習会	(成果の公表、プロジェクトの一体性の強化) (研究成果の迅速な反映、研究重複の排除) (国内シンポジウム、日英/日仏リークジョブを毎年度開催) (全5回;東京、大阪、札幌、福岡、仙台で開催) (中核機関ごとに毎年度1~2回開催) (NMR操作、無細胞タンパク質合成等の習熟のために 理研で随時実施)

* 1~3は19年3月31日時点のデータ、4~6は19年3月1日時点のデータ

** 5の人数には学生、事務は含まない

*** 6の施設の他に大型施設としてSpring8(理研)、Photon Factory(高エネルギー研)を利用

2. プロジェクト参加機関一覧

平成19年3月現在

中核機関	研究代表者	参加機関
理化学研究所 ゲノム科学総合研究センター	横山茂之	機能解析に関し、大学、民間企業等との連携(共同研究等)
東京大学大学院 農学生命科学研究科	田之倉優	東京大学、(株)三菱化学学生命科学研究所、東京薬科大学、日本医科大学、愛媛大学、群馬大学、九州大学、山口大学
北海道大学大学院 先端生命科学研究院	田中 勲	北海道大学、(独)産業技術総合研究所、法政大学、東京大学、新潟大学、国立遺伝学研究所、大阪大学、九州大学、熊本大学、東京工業大学、筑波大学、神戸大学
横浜市立大学大学院 国際総合科学研究科	西村善文	横浜市立大学、富山大学、東京大学、京都大学、愛媛大学、名古屋大学、熊本大学
高工ネルギー加速器研究機構 物質構造科学研究所	若槻壮市	高工ネルギー加速器研究機構、大阪大学、京都大学、(独)理化学研究所、長岡技術科学大学、東京大学、名古屋市立大学、昭和大学、(独)日本原子力研究開発機構、(独)産業技術総合研究所、奈良先端科学技術大学院大学、東京工業大学、京都大学、京都老人総合研究所、京都産業大学、鹿児島大学
京都大学大学院理学系研究科	三木邦夫	京都大学、大阪大学、北海道大学、東京農工大学、名古屋大学、東京工業大学、東京大学、九州大学、(独)日本原子力研究開発機構、富山大学、兵庫県立大学、京都工芸繊維大学
北海道大学大学院薬学研究院	稲垣冬彦	北海道大学、SAILテクノロジー株式会社、奈良先端科学技術大学院大学、九州大学、東京大学、自然科学研究機構
大阪大学蛋白質研究所	中川敦史	大阪大学、名古屋大学、東京大学、岡山大学、兵庫県立大学、愛媛大学、北里研究所
大阪大学大学院理学研究科	倉光成紀	大阪大学、(独)産業技術総合研究所、大阪市立大学、東京大学、東京工業大学、電気通信大学、徳島大学、名古屋大学、香川大学、岡山大学、広島大学、長崎大学、京都大学、筑波大学、福井県立大学、徳島文理大学、九州大学、九州工業大学、高知大学、東北大学、癌研究会

3. プロジェクト予算の概要

タンパク3000プロジェクト予算配分表・年度別集計(単位:千円)

中核機関	代表研究者	合計	H14合計	H15合計	H15年度		H16合計	H17合計	H18合計
					H14補正額	H15本予算			
理化学研究所構造プロテオミクス研究推進本部	横山 茂之	33,383,597	7,104,394	10,695,203	7,195,000	3,500,203	5,100,000	5,268,000	5,216,000
東京大学大学院農学生命科学研究科	田之倉 優	1,800,945	330,000	719,945	263,995	455,950	267,000	240,000	244,000
北海道大学大学院先端生命科学研究院	田中 勲	1,737,525	307,000	631,525	161,925	469,600	279,000	265,000	255,000
横浜市立大学大学院国際総合科学研究科	西村 善文	1,532,000	310,000	550,000	0	550,000	230,000	229,000	213,000
高エネルギー加速器研究機構・物質構造科学研究所	若槻 壮市	1,895,000	310,000	716,000	104,000	612,000	301,000	290,000	278,000
京都大学大学院理学研究科	三木 邦夫	1,610,230	280,000	705,230	345,230	360,000	227,000	204,000	194,000
北海道大学大学院薬学研究院	稲垣 冬彦	1,483,600	257,000	542,600	125,000	417,600	216,000	238,000	230,000
大阪大学蛋白質研究所	中川 敦史	1,480,450	257,000	662,450	274,850	387,600	191,000	190,000	180,000
大阪大学大学院理学研究科	倉光 成紀	2,037,600	307,000	972,600	630,000	342,600	259,000	258,000	241,000
個別的解析プログラム 小計		13,577,350	2,358,000	5,500,350	1,905,000	3,595,350	1,970,000	1,914,000	1,835,000
その他 (SPRing-8供与分、調査委託費等)		6,583,488	1,409,231	1,401,998	0	1,401,998	1,286,317	1,301,352	1,184,590
		53,544,435	10,871,625	17,597,551	9,100,000	8,497,551	8,356,317	8,483,352	8,235,590

平成15年度予算配分の合計は、平成14年度補正予算及び平成15年度本予算の合計を示す。

4. プロジェクトに参加する各機関の実施成果 (平成14年度～平成18年度)

プログラム名	課題実施代表機関	領域名	年度(1)	タンパク質構造解析状況について				特許出願状況(1)		論文の投稿状況(1、4)
				構造数(2)	のうちPDB登録数(3)	ドメイン単位の基本構造の数	新たに構造モデリングが可能になった数	国内	海外	掲載総数
網羅的解析プログラム	理化学研究所 構造プロテオミクス 研究推進本部 (横山 茂之)		H14	164	119	—	—	19	5	50
			H15	373	373	376	42,475	30	17	297
			H16	653	454	613	263,227			
			H17	617	513	1,301	209,061	25	9	150
			H18	868	1,138	679	214,144	8	5	165
	小計	2,675	2,597	2,969	728,907	82	36	662		
個別的解析プログラム	東京大学大学院 農学生命科学研究科 (田之倉 優)	発生・分化と DNAの 複製・修復	H14	24	14			16	2	70
			H15	67	30			18	15	250
			H16	66	41					
			H17	30	30			2	2	82
			H18	41	37			3	0	127
			小計	228	152	111	9,397	39	19	529
	北海道大学大学院 先端生命科学研究院 (田中 勲)	転写・翻訳	H14	31	31			7	1	101
			H15	57	51			13	4	259
			H16	51	42					
			H17	62	43			3	0	68
			H18	56	38			5	0	135
	小計	257	205	185	22,979	28	5	563		
	横浜市立大学大学院 国際総合科学研究科 (西村 善文)	転写・翻訳	H14	32	28			2	0	47
			H15	29	20			12	5	101
			H16	33	21					
			H17	50	23			3	2	59
			H18	59	19			0	1	65
	小計	203	111	88	7,470	17	8	272		
	高エネルギー加速器 研究機構・ 物質構造科学研究所 (若槻 壮市)	翻訳後修飾と 輸送	H14	10	10			0	0	48
			H15	50	16			8	2	107
			H16	17	15					
			H17	94	76			4	0	59
			H18	83	54			1	0	82
	小計	254	171	128	9,381	13	2	296		
京都大学大学院 理学研究科 (三木 邦夫)	タンパク質 高次構造形成と 機能発現	H14	25	19			1	0	26	
		H15	59	38			12	0	229	
		H16	51	44						
		H17	56	34			1	0	98	
		H18	35	44			5	0	130	
小計	226	179	175	17,797	19	0	483			
北海道大学大学院 薬学研究院 (稲垣 冬彦)	細胞内 シグナル伝達	H14	17	9			0	0	19	
		H15	29	12			3	1	102	
		H16	20	10						
		H17	40	33			0	0	58	
		H18	10	16			1	1	22	
小計	116	80	87	6,576	4	2	201			
大阪大学 蛋白質研究所 (中川 敦史)	脳・神経系	H14	36	18			5	0	162	
		H15	98	54			22	14	358	
		H16	63	45						
		H17	74	48			6	6	126	
		H18	26	26			3	0	195	
小計	297	191	206	19,600	36	20	841			
大阪大学大学院 理学研究科 (倉光 成紀)	代謝系	H14	21	21			13	1	63	
		H15	70	54			35	3	162	
		H16	44	43						
		H17	55	59			9	0	57	
		H18	71	60			10	2	66	
小計	261	237	238	22,337	67	6	348			
合計			H14	360	269	—	—	63	9	586
			H15	832	648	376	42,475	153	61	1,865
			H16	998	715	613	263,227			
			H17	1,078	859	1,301	209,061	53	19	757
			H18	1,249	1,432	679	214,144	36	9	987
			総数	4,517	3,923	4,187	844,444	305	98	4,195

[備考]

1: 平成18年度は、平成18年4月～平成19年3月末までの成果である。

2: 構造解析の終了したタンパク質等の構造数

3: PDB(Protein Data Bank)とは、生体高分子立体構造の座標と解析パラメーターなどのデータの編集、公開をWebにより実施しているもの。ほとんどがタンパク質の立体構造だが、一部、核酸と蛋白質の複合体や核酸の構造も含まれている。また、合計では複数の中核拠点で共同で解析したタンパク質を1個として数えており、中核拠点の解析数の合計とは一致しない(H16年度)。

4: 論文の総掲載数(査読があるもののみ)。